

開講科目名 /Course	創薬データサイエンス概論 / Basic Lecture for Data Science for Drug Development	
時間割コード /Course Code	47240-53	
共通科目コード /Common Course Code	GFS-MJ6D02L1	
学部/大学院 /Undergraduate/Graduate	大学院 / Graduate	
開講所属 /Course Offered by	新領域創成科学研究科メディカル情報生命専攻 / Graduate School of Frontier Sciences Computational Biology and Medical Sciences	
ターム・学期 /Term・Semester	2022年度 / Academic Year A 1 / A1	
曜限 /Day, Period	金 / Fri	
開講区分 /semester offered	A1A2 / A1A2	
単位数 /Credits	1	
学年 /Year	M1/M2/D1/D2/D3	
他学部履修 /Available to students in other faculties	可	
備考 /Notes		
主担当教員 /Main Instructor	鈴木 稔、片山 量平、鈴木 絢子、関 真秀	
教室 /Classroom		
教員名 /Instructor	教員所属名 /Affiliation	職名 /Job Title
鈴木 稔	メディカル情報生命専攻	教授
鈴木 絢子	新領域創成科学研究科	准教授
片山 量平	新領域創成科学研究科	
関 真秀	メディカル情報生命専攻	特任准教授
伊藤 耕一	メディカル情報生命専攻	教授
木立 尚孝	メディカル情報生命専攻	准教授
講義題目 /Subtitle	創薬データサイエンス概論 (Basic Lecture for the Data Science for the Drug Development)	
授業の目標、概要 /Course Objectives / Overview	大規模計測機器の測定原理を理解する。	
授業情報 /Class information	オンラインで実施予定	
授業のキーワード /Keywords	日本語用 /Japanese 英語用 /English	創薬方法論概論 Summary of the methods employed for the drug development
授業計画 /Schedule	10/20(木) 4、5限目 1.ゲノム解析 2.トランスクリプトーム解析 10/27(木) 3.エピゲノム解析 4.データベース 10/28(金) 5.数理モデル 6.新技術1(シングルセル解析) 11/4(金) 7.新技術2(ロングリード解析) 8.総合討論 (予備日: 10/21(金))	
授業の方法 /Teaching Methods	講義に出席し、レポートを作成して提出する。 By attendance and reports. Format and length of the report: arbitrary	

成績評価方法 /Grade Evaluation	講義に関するレポートと、出席点。 レポート締切：2022年11月30日 提出先は講義の際に連絡。
教科書 /Textbook	特になし (Not required)
参考書 /Reference	特になし (Not required)
履修上の注意 /Notes on Taking the Course	※日本語による (Only in Japanese) ----- MGSP修了証 修士課程 認定科目 (グループ5) MSGP (M), One of the optional lecture courses for the Medical Genome Science Program (MGSP) (for Master course students). (Group 5)
関連ホームページ /Course-Related Websites	http://dstep.cbms.k.u-tokyo.ac.jp/
その他 /Others	特になし。
メールアドレス /e-mail address	ysuzuki@k.u-tokyo.ac.jp
授業使用言語 /Language Used in Class	日本語